

課題名 (タイトル) :

Clustering or alignment of DNA sequence data

利用者氏名 : 天野晃

所属 : 筑波研究所 バイオリソースセンター 情報解析技術室

- | | |
|--|---|
| <p>1. 本課題の研究の背景、目的、関係するプロジェクトとの関係: BRC における計算資源はそのリソース提供業務に充てられ、BRC としては研究用計算資源を持たないため、RICC を利用する必要がある。</p> <p>2. 具体的な利用内容、計算方法: blast、独自開発のプログラム</p> <p>3. 結果: プログラム開発のみ。</p> <p>4. まとめ: 今年度はプログラム開発のみを行った。</p> <p>5. 今後の計画・展望: プログラム開発を続けるとと</p> | <p>もに、計算のフェーズへ移行する。</p> <p>6. RICC の継続利用を希望の場合は、これまで利用した状況 (どの程度研究が進んだか、研究においてどこまで計算出来て、何が出来ていないか) や、継続して利用する際に行う具体的な内容: プログラム開発としては、並列化を導入する予定。</p> <p>7. 一般利用で演算時間を使い切れなかった理由</p> <p>8. 利用研究成果が無かった場合の理由: プログラム開発に終始したため。</p> |
|--|---|