

課題名(タイトル):

Gene similarity deriving from the ancestral recombination graph (ARG) for predicting disease occurrences

利用者氏名:

○櫻井 利恵子(1)

理研における所属研究室名:

(1) 革新知能統合研究センター 目的指向基盤研究グループ 遺伝統計学チーム

-
1. 本課題の研究の背景、目的、関係する課題との関係
Although ARG is a historical topic in genetics, it has been challenging to estimate due to heavy computation. Recently, estimating ARG is much easier with the tool by J.Kelleher et al(2018). Therefore, we consider applying the information of ARG for predicting disease occurrences via kernel regression or HSIC Lasso and so on, investigating the property of ARG comparing the conventional method, e.g., PCA.
 2. 具体的な利用内容、計算方法
 3. 結果
 4. まとめ
 5. 今後の計画・展望
 6. 利用がなかった場合の理由

本申請は2025年1月15日に行った。まだ申請から1ヶ月しか経っておらず、現在課題遂行のための準備を行っている状況である。