

課題名(タイトル):生命科学のオミックス解析

利用者氏名:○村川泰弘(1)、孫楽(1)、小口綾貴子(1)、小松秀一郎(1)、笠原朋子(1)、大槻真也(1)、竹内一博(1)

理研における所属研究室名:

(1)生命医科学研究センター理研-IFOM がんゲノミクス連携研究チーム

---

1. 本課題の研究の背景、目的、関係するプロジェクトの関係

ゲノムの遺伝子発現ネットワーク解析を行う。ゲノム配列解析、RNA 解析、トポロジー解析などを中心に施行する。これにより、遺伝子の発現制御メカニズム、病気への感受性を高めるゲノム変異のメカニズムを解明することを目指す。研究の遂行には、特にトポロジー解析には莫大な演算量および GPU が必要となる。

2. 具体的な利用内容、計算方法

別プロジェクトの解析、論文準備のため当該プロジェクトの遅延を来した。そのため当該年度の Bigwaterfall の使用はなかった。また、HOKUSAI Sailing Ship の稼働により、Bigwaterfall で予定していた解析に関しては HOKUSAI Sailing Ship で執り行った。

3. 結果

当該年度の Bigwaterfall の使用はなかった。

4. まとめ

別プロジェクトの解析や論文準備のため当該プロジェクトの遅延を来した。そのため当該年度の Bigwaterfall の使用はなかった。今後の解析は Hokusai Sailing Ship に移行して、順次実施予定である。

5. 今後の計画・展望

今後の解析は Hokusai Sailing Ship に移行して、順次実施予定である。

6. 利用がなかった場合の理由

別プロジェクトの解析、論文準備のため当該プロジェクトの遅延を来した。そのため当該年度の Bigwaterfall の使用はなかった。また、HOKUSAI Sailing Ship の稼働により、Bigwaterfall で予定していた解析に関しては、HOKUSAI Sailing Ship で執り行った。