

課題名 (タイトル) :

同一染色体内での cis-および trans-eQTL 解析

利用者氏名 : 宮 冬樹\*, 森園 隆\*

所属 : 横浜研究所 統合生命医科学研究センター 医科学数理研究グループ

---

1. 利用がなかった場合の理由

本課題での必要な演算が、所属研究室内のコンピュータで処理することが可能な計算量の範囲内であったため。

平成 25 年度 RICC 利用研究成果リスト

【論文、学会報告・雑誌などの論文発表】

なし。

【国際会議などの予稿集、proceeding】

なし。

【国際会議、学会などでの口頭発表】

1. Miya F, Morizono T, Abe T, Kubo M, Tsunoda T; Massive Genome-wide *cis*- and *trans*-eQTL analysis using next generation sequencer in Japanese population. The 36<sup>th</sup> Annual Meeting of the Molecular Biology Society of Japan, Kobe (2013).
2. 宮 冬樹、森園 隆、阿部 哲雄、久保 充明、角田 達彦; 日本人における全ゲノム間の関連についての網羅的eQTL解析 (Massive Genome-wide *cis*- and *trans*-eQTL analysis in Japanese population), 日本人類遺伝学会 第58回大会, 仙台 (2013).

【その他】

なし。